أنثروبولوجيا جينية | تحقيق تاريخي محكّم

محكمة التاريخ البيولوجية

علم الجينوم السلالي (Y-DNA) في مواجهة الفوضى الرقمية

The Biological Court of History

Archaeogenetics (Y-DNA) and the Defiance of Digital Sophistry

الباحث والمؤلف

أحمد حمد حميد بن ربيع الصبحي

By: Ahmed ibn Hamad Al-Sobhi

محكمة التاريخ البيولوجية:
علم الجينوم السلالي (Y-DNA) في مواجهة الفوضى الرقمية

The Biological Court of History:
Archaeogenetics (Y-DNA) and the Defiance of Digital Sophistry

إعداد الباحث/

أحمد بن ربيع الصبحي

By: Ahmed ibn robaeya Alsobhi

*** يونيو 2026 م***

June 2026

كيف يخرس علم الجينوم السلالي هذر المتفيهقين ؟!

الحمد لله والصلاة والسلام على رسول الله أما بعد :

يخرج علينا في كل يوم غِرٌّ أحمق متفيهق، سمحت له مساحات التواصل الاجتماعي بأن يكتب ويرد ويناقش بكل صفاقة، متطاولاً على قامات أمضت عقوداً من عمرها في سبر أغوار العلوم وتحقيقها. وعلى مر التاريخ، لم يسلم علمٌ من طعن هؤلاء ومحاولاتهم لتدميره؛ لسبب بسيط، وهو أنهم لا يملكون في جعبتهم سوى الهذر، والتنفخ الفارغ، والجهل المركب.

ومن أبرز العلوم التي تواجه هذا الهجوم الممنهج اليوم: علم الجينوم السلالي (Genetic Genealogy). وهو علمٌ يُعتبر في ميزان التحقيق التاريخي قرينة إثبات قطعية وليس مجرد شاهد استدلال عابر، والبراهين العلمية على ذلك أكثر من أن تُحصى. ولكن، ماذا يفعل هؤلاء الأدعياء عندما لا يعجبهم هذا العلم؟ يلجؤون للتشغيب عليه، لأنه ببساطة يسبر أغوار حقائقهم المخفية، ويسلط نوره الصارم عليها، فيعريهم أمام الحقيقة المجردة دون مجاملات مصطنعة أو محاباة لأحد.

يردد هؤلاء الدجاجلة شبهة مهترئة تزعم أن "هذا العلم لا يثبت النسب، وإنما هو مجرد استئناس لا يرقى لكونه قرينة قطعية". وهنا يجب أن نلقم هذا "الأحمق الدرويش" حجراً علمياً يفصل بين أمرين يخلط بينهما بجهل:

1. **فحص الأبوة القضائي (Autosomal / STR DNA): وهو المستخدم في الطب الشرعي لإثبات بنوة طفل لوالديه المباشرين (بنسبة دقة قطعية). وهذا الفحص تندثر قيمته عبر الأجيال بفعل الانقسام الاختزالي، ولا يصلح لبناء الأنساب البعيدة.**
2. **فحص السلالات الذكرية (Y-DNA): وهو المعني بغربلة المشجرات وتحقيق الأنساب الممتدة. هذا الفحص يتتبع الكروموسوم الذكري (y) الذي ينتقل من الأب إلى الابن كنسخة كربونية دون أي اندماج مع جينات الأم، ولا يتغير عبر القرون إلا من خلال طفرات جينية عشوائية (SNPs) تحدث في أجيال متباعدة. هذه الطفرات هي "الجرامافون الرقمي" و"الوسم البيولوجي" الذي لا يكذب، وبناءً عليه تُصنع المشجرات الجينية وتُحدد الأعمار الزمنية لتقاطع الفروع البشرية.**

ولكي يفقه هذا الأحمق كيف يملك العلم الجيني القدرة على تصحيح التاريخ، نضع هذا المثال التكاملي الحقيقي الذي يحاكي الواقع الميداني للباحثين:

نفترض وجود قبيلة تتكون من جذمين يعيشان في جغرافية واحدة ومستقرة: الأول اسمه (طاهر) والثاني اسمه (باهر)، وكلاهما يلتقيان في جد كبير اسمه (ساهر) بعد ستة أجداد. وعلى مسافة 150 كم، تعيش قبيلة أخرى من أبناء عمومتهم اسم جدها (طارق)، والموروث المستفيض بين كبار الطرفين يثبت أن (طارق) يلتقي مع (باهر وطاهر) في الجد الجامع (ساهر) في الجد الرابع.

جاء العالم الجيني، وفحص عينات من (طاهر وباهر)، فكشفت النتائج البيولوجية أن "العمر الزمني" الذي يلتقي فيه الطرفان هو 150 سنة، وهذا يطابق الموروث تماماً. ثم اتجه العالم إلى قبيلة (طارق) البعيدة جغرافياً، وفحص عينات متعددة من أبنائها، فظهر أن العمر الجامع الذي يربطهم بالفروع الأولى هو 200 سنة.

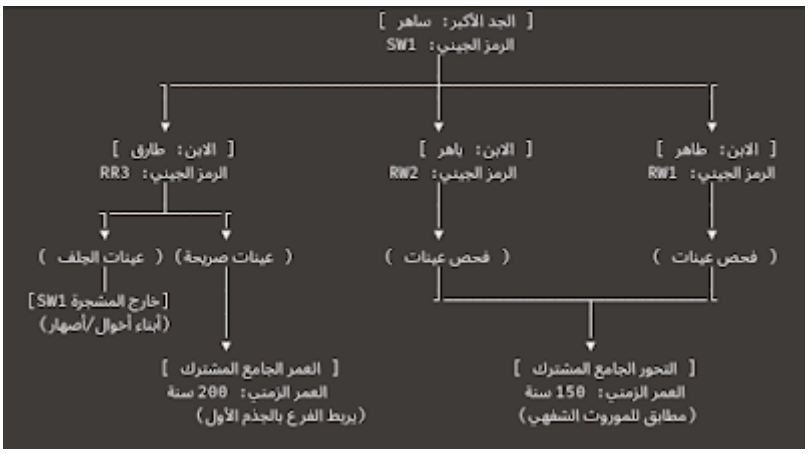
هنا تحول الموروث الشفهي والمدون في الكتب إلى حقيقة بيولوجية صلبة، فقام العالم بوضع رمز جيني استراتيجي للجد الأكبر (ساهر) أسماه (SW1)، وتفرعت منه مباشرة الرموز الجينية للأبناء الثلاثة: (طاهر RW1)، (باهر RW2)، و(طارق RR3).

أثناء فحص عينات قبيلة (طارق)، ظهرت معضلة علمية: عينتان فقط تطابقتا مع الجد الجامع (ساهر)، بينما ظهرت ثلاث عينات أخرى خارج المشجرة تماماً ولا تلتقي بأي صلة بيولوجية بالجد أو بنيه، رغماً عن أن أصحابها يحملون اسم (طارق) اجتماعياً!

بدأ العالم الجيني سلسلة من التحقيقات الميدانية والتاريخية في ماضي هذه القبيلة، وسأل كبار السن والمؤرخين، فتكشفت له المفاجأة التاريخية:

إن جد قبيلة (طارق) عندما جلى عن ديار أبناء عمومته قديماً بسبب ثأر، خرج ومعه أخوان شقيقان (جلس اثنان في الديار الجديدة، بينما هاجر الثالث إلى بلاد بعيدة وانقطعت أخباره). وعندما استوطن (طارق) منطقته الجديدة، كان هناك رجلان يعيشان في تلك البقعة، فحالفوهم وتزوجوا منهم وصاروا أخوال لهم، ودخلوا تحت مسماهم القبلي لحمايتهم ومناصرتهم.

هنا تجلت عظمة العلم؛ فالجغرافيا والزمن دمجت الأسماء صهرًا، لكن الحمض الجيني لم يداهن، بل حدد بدقة الصريح من الحليف، دون أن ينقص من قدر الحليف كفؤاً وعزيزاً، لكنه وضعه في مكانه البيولوجي الصحيح.



مضى على هذا العالم الجيني أكثر من 40 سنة في تأسيس معمله، وبناء قاعدة بيانات عالمية ضخمة لحفظ هذه النتائج وتراكمها. وبعد عقود، جاء رجل من بلاد بعيدة جداً يبحث عن أصوله، ولا يعلم من تاريخه سوى أن جده قد هاجر قديماً من جغرافية قبيلة (ساهر). بمجرد فحص عينته ومقارنتها بقاعدة البيانات، ظهر "التطابق الجيني القطعي" مع فرع الأخ الثالث لـ (طارق) الذي اختفى قبل مئات السنين!

لماذا يرتعد الأدعياء من هذا العلم؟

بعد هذه القصة التاريخية والعلمية المحكمة، نطرح السؤال الجوهري: هل تظن أن الحمض الجيني لا يصحح أخطاء التاريخ والتزوير؟

إن الـ DNA محكمة بيولوجية لا تقبل الرشوة، ولا تخضع للأهواء، ولا تنحني لأصحاب الصوت العالي في منصات التواصل. يرتعد المتفيهقون من هذا العلم لأنهم بنوا وجاهة اجتماعية زنيفة، أو ادعاءات عائلية باطلة على رمال متحركة، فجاء علم السلالات ليفصل بين "الصلب" و"الحِلف" ببرود علمي صارم.

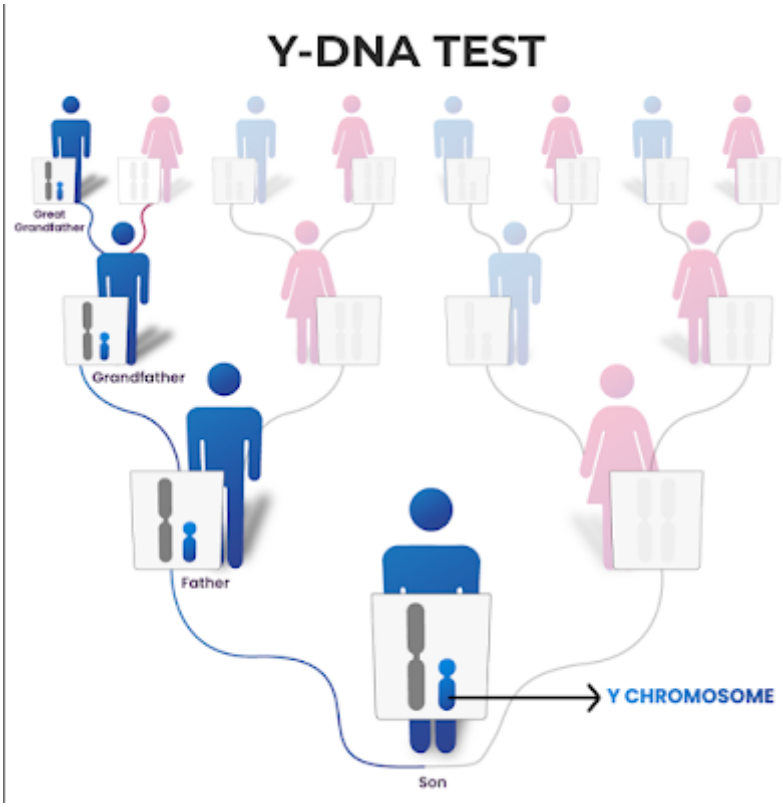
وبما أن "الإنسان عدو ما يجهل"، ولأنهم يعجزون عن فهم معادلات الطفرات والتحورات الجينية والمشجرات الفيلوجينية، فإن وسيلتهم الوحيدة هي الطعن في العلم كله.

ولكن، ليعلم كل أحمق ودرويش: أن هذر المنصات سيذهب جفاءً، ولن يصح في النهاية إلا الصحيح، وستبقى الحقيقة الجينية الموثقة بالدليل العلمي هي المرجع الأول والأخير، رغماً عن أنوف المدعين.

الحرب البيولوجية تحقيق علمي أم خيالات أطفال؟

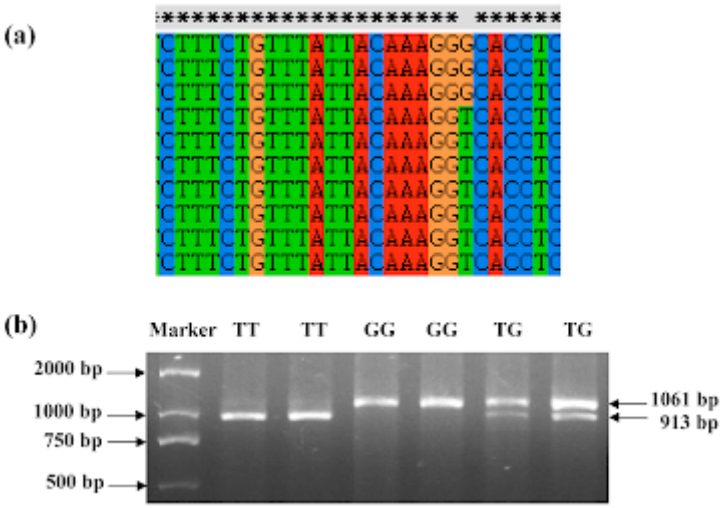
ذكر سابقا أن Y -DNA ينتقل عن طريق الأب ولا يتغير إلا عبر طفرات جينية عشوائية (SNPs) و لنفهم ماهي هذه الطفرات بشكل مختصر وبسيط.

SNPs وهي اختصار لـ Single Nucleotide Polymorphisms وتُعرف باللغة العربية بـ "الطفرات الجينية أحادية النيوكليوتيد". فهي "البصمة الوراثية" أو "الوسم الجيني" الذي يتغير في الحمض النووي (DNA) من جيل إلى جيل بسبب خطأ نسخ غير ضار يحدث أثناء التكاثر. ونفهم أكثر آلية عملها تخيل أن الجينوم كتاب ضخم مليء بالمليارات من الحروف المتكررة (A, T, C, G). في مكان محدد جداً من هذا الكتاب، تجد أن كل البشر لديهم الحرف A، لكن عند رجل معين ينقلب هذا الحرف ليصبح G. هذا التغير البسيط بالحرف الواحد هو الـ SNP.



دورها في علم الأنساب (Y-DNA): هذه الطفرة عندما تحدث في رجل، فإنها تُقفل وتنتقل إلى كل أبنائه وأحفاده وأحفاد أحفاده إلى قيام الساعة. ومن خلال رصد هذه الطفرات وتتبعها، يستطيع علماء الجينوم رسم "المشجرة البشرية" وتحديد الفروع والقبائل. فكلما اشتركت مجموعتان في "طفرة معينة" (SNP)، دلّ ذلك قطعياً على أنهما تلتقيان في جد جامع واحد هو أول من حَدَثَتْ لديه هذه الطفرة.

إذاً، الـ SNP هو الحجر الأساس والأداة القطعية التي يُبنى عليها علم السلالات، وهي بمثابة "العنوان البيولوجي" الذي يحدد موقعك الدقيق على شجرة البشرية.



الحرب البيولوجية وهذه الشبهة هي واحدة من أكثر "نظريات المؤامرة" رواجاً، وتجد لها سوقاً خصبة لدى نفس الفئة المتفيهقة التي تعجز عن مقارعة العلم بالحجة، فتلجأ إلى دغدغة العواطف وإثارة الذعر والتهويل لترهيب الناس من توثيق أنسابهم. يروج هؤلاء لفكرة مضحكة مفادها أن هناك "زرّاً جينياً" إذا ضغطته في سلاح بيولوجي سيموت أفراد القبيلة (أ) وينجو منها أفراد القبيلة (ب). هذا جهل فاضح بطبيعة الجينوم البشري.

نسبة التشابه الجيني بين أي بشرين على وجه الأرض (مهما تباعدت أعراقهم) تتجاوز99.9%. الفروقات السلالية التي نبحث عنها في علم الأنساب (مثل الطفرات الصامتة SNPs) تقع في جزء ضئيل جداً لا يؤثر على الوظائف الحيوية للجسم، ولا يصنع فارقاً في الاستجابة للأمراض أو السموم. والفحوصات السلالية التي نثبت بها الأنساب تعتمد على كروموسوم "Y" (الذي يمثل أقل من 1% من الحجم الإجمالي للحمض النووي للإنسان). هذا الكروموسوم يحدد خط السير الأبوي فقط، لكنه لا يحمل صفات المناعة، أو زمرة الدم، أو الأمراض، أو تكوين الأعضاء.

فكيف لسلاح بيولوجي أن يستهدف جسداً كاملاً بناءً على "وسم صامت" لا علاقة له ببيولوجيا المناعة؟

لا توجد سلالة بشرية أو قبيلة نقيّة جينياً بنسبة 100% بمعزل عن البشر؛ الأخوال، والأصهار، والجدات يربطون البشرية كلها بشبكة جينية واحدة (Autosomal). أي سلاح بيولوجي يستهدف عرقاً معيناً، سينتهي به المطاف بإبادة شعوب الأرض قاطبة بما فيهم صانع السلاح نفسه، لأن الجينات متداخلة وممتدة عبر الأمهات والأخوال. فإذا كانت هناك قوى دولية تريد تصنيع سلاح بيولوجي ضد قومية أو ضد قبيلة معينة، فهل هم بحاجة لانتظار فحص "أحمد" أو "زيد" في شركة تجارية؟

العينات الأكاديمية متاحة بشكل مجاني، والجامعات الغربية والمراكز البحثية العالمية تمتلك بالفعل، ومنذ عقود، خرائط جينية كاملة لكل شعوب الأرض (بما فيهم سكان الشرق الأوسط) عبر مشاريع أكاديمية رسمية معلنة (مثل مشروع ألف جينوم Genomes Project 1000، ومسوح منظمة

الصحة العالمية، وعينات المستشفيات البحثية لعلاج الأمراض الوراثية). لديهم ما يكفي من الداتا العلمية المجانية دون الحاجة لسرقة عينات نسب من شركات ومعامل تجارية.

الأسلحة البيولوجية بطبيعتها (كالفايروسات أو البكتيريا المعدلة) هي أسلحة "عمياء" وغير منضبطة، لا يمكن السيطرة على حدودها الجغرافية أو البشرية بمجرد إطلاقها. التاريخ العسكري يثبت أن كبرى الدول توقفت عن تطوير هذه الأسلحة لعدم إمكانية تحجيمها، فكيف بضبطها على مستوى "تحور قبلي"؟ والشركات الجينية التجارية (مثل FamilyTreeDNA أو YFull وغيرها) هي مؤسسات ربحية استثمارية، وقيمتها السوقية تكمن في "ثقة العميل". ولو ثبت للحظة واحدة أن شركة جينية تسرب بيانات عملائها لأجهزة استخباراتية لتصنيع أسلحة، لتعرضت للإفلاس الفوري، والملاحقات القضائية الدولية التي تدمرها. والعينات الجينية عندما تخرج من الفرد لا تخرج باسمه القبلي الصريح "فلان بن فلان الصبحي أو القرشي إلخ..."، بل تخرج برقم تسلسلي مجرد (Kit Number). وقواعد البيانات تتعامل مع طفرات وأرقام صامتة، لا تفيد الجنرال العسكري في شيء، بل تفيد المؤرخ والنسابة فقط.

من المضحك المبكي أن هؤلاء الذين يخشون "الحرب البيولوجية" من فحص لعاب جيني صامت لإثبات نسبهم، هم أنفسهم الذين:

- **يهرعون للمستشفيات لإجراء فحوصات دم كاملة وفحوصات أورام جينية متطورة تُرفع عينات النسيج فيها لمختبرات دولية في الغرب دون أدنى تساؤل.**
- **يسلمون بصماتهم الحيوية (بصمة الوجه، وبصمة الإصبع، وبصمة الصوت) لكل التطبيقات التجارية والهواتف الذكية الأجنبية يومياً.**
- **يأكلون ويشربون من أدوية وأغذية مستوردة تخضع لرقابة تلك الدول التي يخشون "حربها البيولوجية"!**

فزّاعة "الحرب البيولوجية وعلاقتها بفحوصات الأنساب" هي حيلة العاجز؛ فالكروموسوم الذكري (Y) ليس له علاقة بجهاز المناعة البشري، والشركات لا تملك أسماء القبائل بل رموزاً رقمية، والتشابه البيولوجي بين البشر يجعل من "السلاح العرقي الذكي" استحالة علمية وعسكرية.إنهم لا يخشون حروب الغرب البيولوجية، بل يخشون "حقائق العلم البيولوجية" التي ستجتث أوهامهم في تحقيق الأنساب وتكشف زيف ادعاءاتهم!

إنسان النياندرتال ليس قـردا

هانحن نقف على آخر محطات تفنيد شبهات الحمقى، شبهة بل فرية مضحكة تخلو من أدنى أثافي العلم والمنطق! لقد وصلت بالمتفيهقين الجرأة إلى خلط الحابل بالنابل، فرموا باحثي السلالات بـ"الإلحاد" و"الداروينية" لمجرد عجزهم عن فك شفرات العلم، محاولين دغدغة العواطف الدينية للعامة عبر فزّاعة "نظرية التطور" وأن أصل الإنسان قرد. هذه الشبهة تتهافت أمام الحقائق العلمية والشرعية، بل إن علم الحمض الجيني (بفروعه كافة) هو أكبر هادم لنظرية داروين قاطبة، وهو المثبِت الأقوى لقصة الخلق وتناسل البشر من أب واحد وأم واحدة.

ولندحض هذا الجهل المطبق عبر تفكيك أكذوبة "إنسان النياندرتال" وعلاقتها بـ"آدم والذرية البشرية":

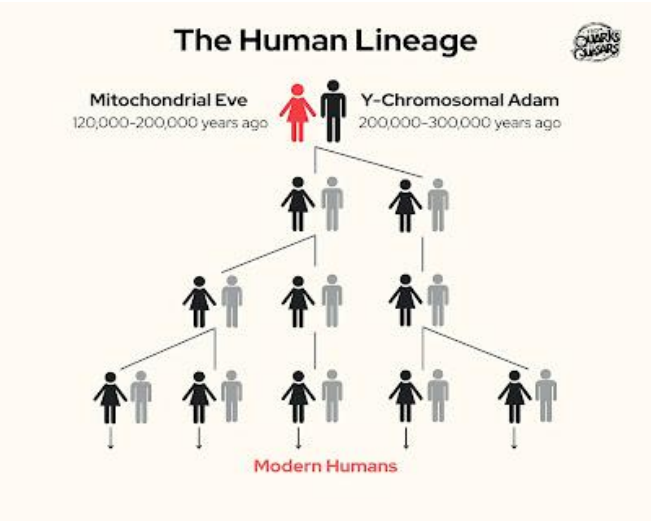
- **علم السلالات يُثبت "آدم وحواء" جينياً:**

بينما تزعم داروين ومقلدوه أن البشر تطوروا بشكل عشوائي تدريجي عبر ملايين السنين من أسلاف مشتركة مع القردة، جاء علم الحمض الجيني ليصفع هذه النظرية في مقتل عبر حقيقتين علميتين دوليتين:

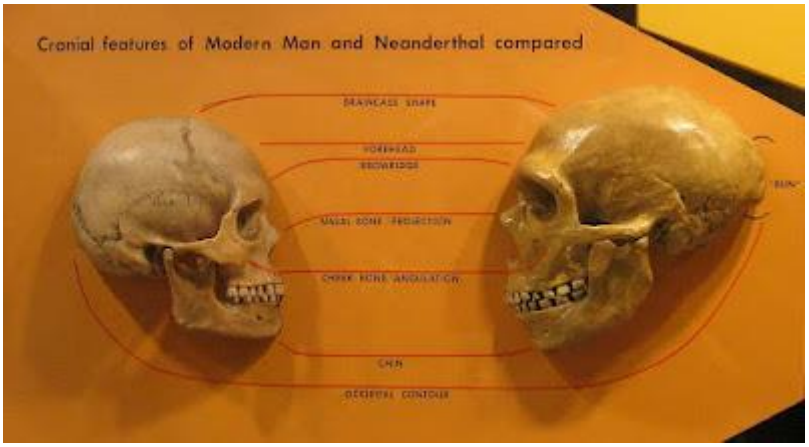
أولا: آدم الصبغي (Y-Chromosomal Adam): وجد علماء الجينوم أن كل الرجال الأحياء على كوكب الأرض اليوم (بمختلف أعراقهم وقبائلهم) يلتقون حتماً بيولوجياً في صُلب رجل واحد فقط انحدروا منه جميعاً عبر الكروموسوم الذكري (Y).

ثانيا: حواء الميتوكوندرية (Mitochondrial Eve): وجد العلماء أن كل البشر (ذكوراً وإناثاً) يلتقون في خط الأمومة عبر الحمض النووي للميتوكوندريا (mtDNA) في امرأة واحدة فقط.

هذا اللقاء الجيني القطعي في "أب واحد وأم واحدة" ينسف تماماً فرضية التطور العشوائي المتوازي لقطعان من البشر، ويطابق النص القرآني والشرعي في أن البشرية جمعاء خرجت من نفس واحدة. فكيف يُتهم علمٌ يُثبت حقيقة "آدم" بأنه يخدم الداروينية؟!



لغز "النياندرتال": هل هو قرد أم جد بشر؟



من هو النياندرتال بيولوجياً؟ هو نوع بشرى غابر (وليس قرداً!)، كان يمتلك عظاماً أقوى، ويعيش في بيئات جليدية باردة (أوروبا وأجزاء من آسيا)، وكان يبني بيوتاً، ويدفن موتاه، ويصنع أدوات صيد معقدة. هو إنسان عاقل مكلّف بيولوجياً، يقع تماماً تحت مظلة "بني آدم" الذين انتشروا في الأرض، وليس حلقة وصل بين إنسان وقرد. عندما تفحص الشركات الجينية الحمض النووي الكامل (Autosomal) لسكان يوراسيا، تجد نسبة ضئيلة جداً تتراوح بين 1% إلى 2% من الجينات تتشابه مع هياكل النياندرتال المستخرجة من الكهوف. هذا لا يعني أن "أصلنا نياندرتال"، بل يعني حدوث "تداخل وتزاوج بشري طبيعي" قديماً بين جماعات بشرية هاجرت، وهو أمر بديهي في التكاثر البشري، تماماً كما تتداخل جينات القبائل اليوم بالصهر والنسب.

المفارقة الكبرى التي تخرس هؤلاء المتفيهقين، هي أن فحوصات الأنساب والقبائل تعتمد على كروموسوم (Y) الصامت الصافي، وهذا الكروموسوم عند كل البشر المعاصرين نقي تماماً، ولم يثبت قط في أي فحص سلالي قبلي حول العالم أن هناك رجلاً واحداً يحمل كروموسوم (Y) يعود للنياندرتال! فكيف يزعمون أن الباحثين يربطون أنساب الناس بالنياندرتال، والفحص السلالي أصلاً يفصل بينهم تماماً؟!

لماذا يخلط المتفيهقون بين السلالات والداروينية؟

الخلط يأتي من منبعين لا ثالث لهما:
العجز عن التفريق بين علوم مختلفة: هم يخلطون بين "علم المستحثات والأنثروبولوجيا القديمة" (الذي يحاول الملاحدة توظيفه لخدمة التطور)، وبين "علم الجينوم السلالي التاريخي" المعني بدراسة تحورات المجموعات البشرية الحالية وهجراتها التاريخية خلال الآلاف القليلة الماضية (عصر عدنان وقحطان وما قبلهما بقليل). عندما يعجز المدّعي عن إثبات عموده النسبي جينياً، ويسقط مشجره المصطنع أمام شفرات الـ DNA، لا يجد سلاحاً للدفاع عن كبريائه الجريحة سوى "التكفير والشيطنة"، فيقول للعامة: "احذروا هؤلاء الباحثين، إنهم ملاحدة يتبعون داروين ويريدون جعل أجدادكم قردة أو نياندرتال!" لكي يهرب من فضيحته البيولوجية.

علم الحمض الجيني هو الترياق الذي قضى على أحلام داروين؛ لأنه أثبت بالدليل الرقمي الذي لا يقبل الشك أن البشرية تعود لصلب رجل واحد (آدم جيني). والحديث عن النياندرتال هو حديث عن سلالات بشرية غابرة تمازجت، لا علاقة لها بالقردة ولا بنظريات الإلحاد.

إن المتفيهقين يمارسون "الإرهاب الفكري" لتغطية عجزهم العلمي، لكن الحقائق البيولوجية ستبقى شامخة، تكشف زيف موروثاتهم المصطنعة، وتثبت أن علم الجينوم هو المحقق الأصدق لتاريخ بني آدم على هذه الأرض.

PART I: HOW ARCHAEOGENETICS SILENCES THE SOPHISTRY OF DIGITAL COMMENTATORS

1. Introduction: The Disruptions of Pretenders and the Bedrock of Science

Praise be to Allah, and peace and blessings be upon the Messenger of Allah. To proceed:

Every day, a foolish, pretentious neophyte emerges across social media platforms, emboldened by these open digital spaces to write, counter, and debate with utter effrontery, brazenly targeting academic figures who have spent decades plumbing the depths of science and validating its realities. Throughout history, no science has ever been immune to the assaults and destructive attempts of such individuals, for a simple reason: they possess nothing in their arsenal but empty prattle, hollow inflation, and compounded ignorance.

Among the most prominent sciences facing this systematic onslaught today is Genetic Genealogy (Archaeogenetics). In the scales of historical investigation, this science is established as a definitive, conclusive proof, rather than a mere circumstantial indicator — with empirical evidence far too vast to enumerate. Yet, how do these pretenders react when the science contradicts their biases? They resort to sophistry and disruption, simply because this science uncovers their concealed realities and casts an unyielding light upon them, stripping away artificial flatteries or nepotistic alignments.

2. The Great Fallacy: Forensic Paternity vs. Lineal Phylogenetics

These charlatans persistently echo a worn-out fallacy, claiming that "this science does not validate lineage, but serves merely as circumstantial corroboration that falls short of absolute proof." Here, we must deliver a decisive scientific rebuttal to silence this ignorant dogmatist, distinguishing between two modalities that he ignorantly conflates:

First: Forensic Paternity Testing (Autosomal / STR DNA)

This methodology is utilized in forensic medicine to establish direct parentage between a child and their immediate parents with absolute certainty. However, the resolution of this genetic data degrades across generations due to meiotic recombination, rendering it entirely useless for deep genealogical reconstruction.

Second: Patrilineal Testing (Y-DNA)

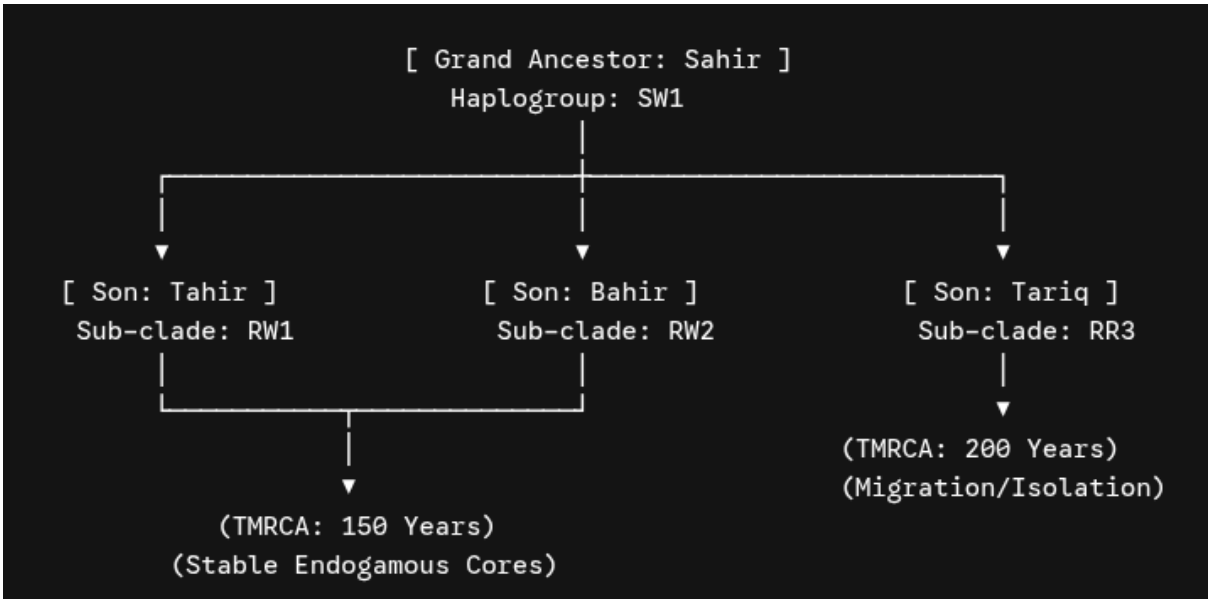
This is the ultimate tool for filtering and verifying extended lineages. It traces the non-recombining region of the Y-chromosome, transmitted from father to son as a carbon copy, entirely unadulterated by maternal genetic recombination. It remains unchanged over centuries except through random Single Nucleotide Polymorphisms

(SNPs) that occur across deep generational intervals. These mutations function as a "digital gramophone" and an immutable "biological brand" that never lies. Upon this foundation, phylogenetic trees are constructed, and the Time to Most Recent Common Ancestor (TMRCA) between human lineages is calculated with precision.

3. Field Investigation and the Comparative Analog Model

To demonstrate how archaeogenetics possesses the empirical power to rectify history, we present this integrative analog model that simulates the field reality of researchers:

Suppose a tribe is divided into two sub-clades residing in a single, stable geography: the first named Tahir and the second Bahir, both coalescing into a great ancestor named Sahir after six generational removes. Concurrently, located 150 km away, resides another kindred tribe whose ancestral patriarch is named Tariq. A widely transmitted oral tradition among the elders of both factions asserts that Tariq converges with Bahir and Tahir in the grand common ancestor Sahir at the fourth grandfatherly remove.



Phylogenetic Tree Diagram of Grandfather Sahir (SW1) and his Three Sons

A geneticist intervened, assaying samples from both Tahir and Bahir. The biomolecular results revealed that the TMRCA connecting both factions is approximately 150 years, perfectly mirroring the traditional narrative. The geneticist then traveled to the geographically distant tribe of Tariq, testing multiple samples from its members; the analysis showed that the shared molecular age linking them to the first branches was 200 years. At this juncture, oral traditions and textual records solidified into empirical biological fact. Consequently, the geneticist designated a strategic ancestral macro-haplogroup for the grand patriarch Sahir as SW1, from which the specific sub-clades of the three sons directly branched: Tahir (RW1), Bahir (RW2), and Tariq (RR3).

4. The Sample Dilemma: Filtering Core Lineage from Alliance

During the genotyping of the Tariq tribe, a scientific dilemma emerged: only two samples matched the grand common ancestor Sahir, while three other samples fell completely outside the phylogenetic tree, sharing no biological affinity with the patriarch or his lineages—despite their carriers holding the "Tariq" designation socially!

The geneticist initiated a series of field and historical investigations into the tribe's past, interviewing elders and historians, which unveiled a historical revelation: When the patriarch of the Tariq tribe originally fled the lands of his paternal cousins due to a blood feud, he departed alongside two full brothers (two settled in the new territory, while the third migrated to a distant land, and his traces were lost). When Tariq colonized his new region, two unrelated men were already inhabiting that locale; they entered into a tribal pact (alliance), intermarried with them, became maternal uncles, and integrated under the tribal banner for protection and mutual defense.

Here, the magnificence of science manifested; though geography and time fused the names socially, the DNA did not compromise. It meticulously distinguished the core lineage from the allied entrant, without diminishing the stature of the ally as an esteemed peer, yet accurately placing them in their rightful biological coordinate.

This geneticist spent over 40 years establishing his laboratory and engineering a massive, global database to preserve and accumulate these results. Decades later, a man arrived from a highly distant land seeking his origins, knowing nothing of his ancestry except that his forefather had long ago migrated from the geographic domain of the Sahir tribe. Upon assaying his sample and cross-referencing it with the global database, a definitive genetic match emerged with the branch of Tariq's third brother—the very lineage that had vanished hundreds of years ago!

Conclusion of Part I: The Unyielding Biological Court

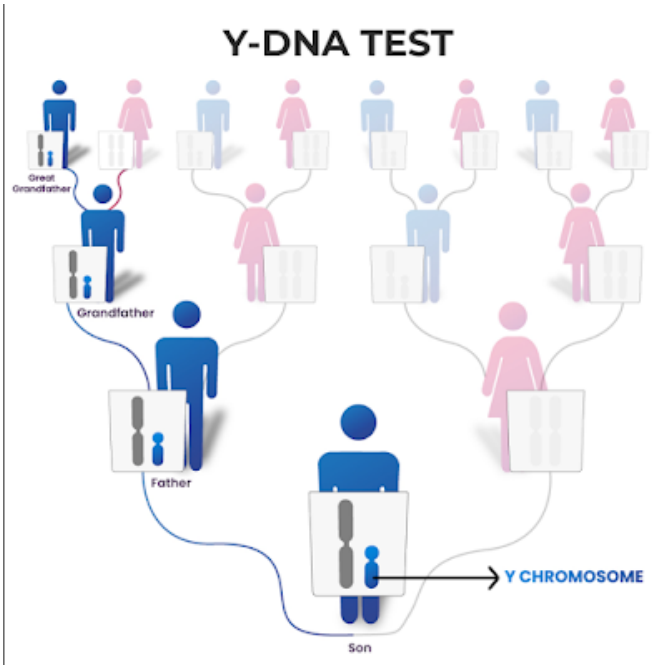
Following this rigorously sound historical and scientific account, we pose the fundamental question: Do you truly believe that genetic genealogy cannot rectify historical errors and fabrications? The DNA is a biological court that rejects bribery, does not bend to personal whims, and never bows to the loudest voices on social platforms. These pretenders tremble before this science because they constructed a counterfeit social prestige, or invalid ancestral claims, upon shifting sands. Thus, genetic genealogy intervened to segregate "core lineage" (the bone) from "social alliance" (the pact) with absolute, unyielding empirical objectivity.

Since human beings are naturally hostile to what they fail to comprehend, and because these critics are utterly incapable of deciphering mutational equations, genetic variations, and phylogenetic trees, their sole recourse is to assault the validity of the science in its entirety. However, let every ignorant dogmatist know: the prattle of digital platforms will vanish as froth, and only truth shall prevail. The genetic reality, anchored by empirical proof, shall remain the primary and ultimate authority, in defiance of all false claimants.

PART II: THE MYTH OF ETHNIC BIOWEAPONS — SCIENTIFIC INVESTIGATION VS. CHILDISH SPECULATIONS

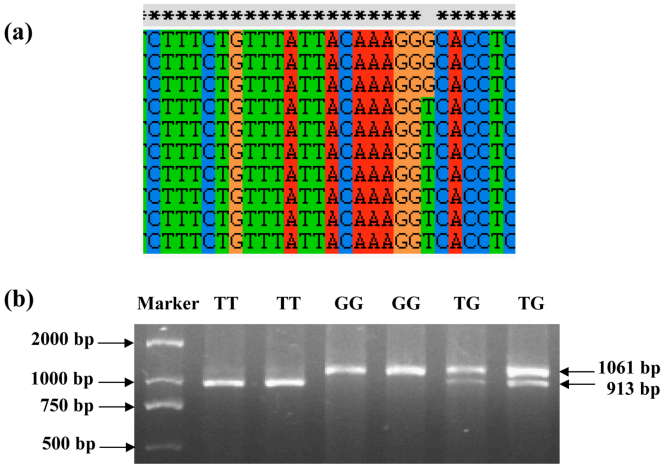
1. **Understanding Mutations: What is a SNP?**

It was previously stated that Y-DNA is transmitted strictly via the paternal line and remains unchanged except through random genetic mutations known as SNPs. Let us briefly and simply demystify what these mutations are.



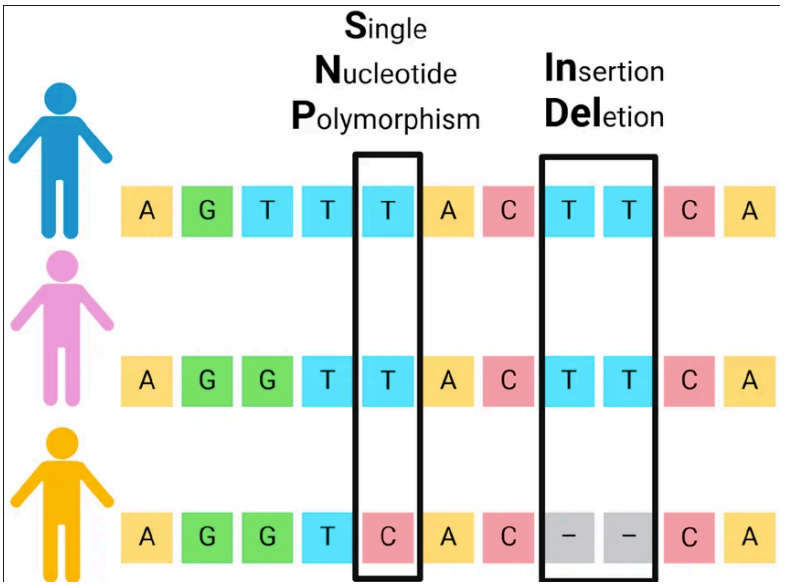
Anatomical Diagram of Y-Chromosomal Inheritance across Generations

SNP stands for Single Nucleotide Polymorphism. It represents the "genetic fingerprint" or "biological marker" that alters within the DNA sequence from one generation to the next due to a harmless copying error during replication. To better conceptualize how it works, imagine the human genome as a massive book filled with billions of repeating chemical letters (A, T, C, G). At a highly specific location in this book, you might find that the entire human population carries the letter A; however, in one particular man, this letter undergoes a random substitution and becomes G. This microscopic single-letter variation is a SNP.



When this mutation occurs in a male individual, it becomes permanently locked into his genetic profile and is transmitted invariably to all his sons, grandsons, and direct male descendants until the end of time. By identifying and tracing these mutations, genomic scientists can accurately reconstruct the "Human Phylogenetic Tree," delineating distinct branches, lineages, and tribes. Whenever two distinct groups share a specific SNP mutation, it yields definitive empirical proof that they coalesce into a single common ancestral patriarch—the very individual in whom that mutation first occurred.

Therefore, the SNP is the foundational bedrock and the absolute tool upon which genetic genealogy is built; it serves as your precise "biological address" on the vast tree of humanity.



Deconstructing the Bioweapon Paradigm: Absolute Impossibility

The allegation regarding ethnic bioweapons is one of the most widely circulating conspiracy theories. It finds a highly fertile market among the same pretentious commentators who, lacking the capacity to challenge empirical science with evidence, resort to emotional manipulation and fear-mongering to terrorize people away from documenting their lineages. These individuals propagate a comical notion suggesting the existence of a "genetic switch" that, if integrated into a biological weapon, could selectively eradicate Tribe A while leaving Tribe B entirely unharmed. This reveals a monumental ignorance of human genomics.

The genetic similarity between any two human beings on Earth, regardless of how geographically or ethnically distant they may be, exceeds 99.9%. The lineal variations investigated in genetic genealogy (such as silent SNP mutations) reside in a structurally minute portion of the genome that has absolutely no impact on vital bodily functions, nor does it create differences in vulnerability to diseases, pathogens, or toxins. Furthermore, patrilineal tests rely exclusively on the Y-chromosome, which accounts for less than 1% of a human being's total DNA. This

chromosome serves solely as an ancestral compass tracking the paternal line; it does not carry genes governing immunity, blood types, diseases, or vital organ development.

How, then, could a biological agent selectively target an entire organism based on a silent genetic marker completely disconnected from the biology of human immunity?

No human lineage or tribe on Earth exists in absolute 100% genetic isolation. Maternal lineages, in-laws, and grandmothers bind all of humanity into a single, highly interconnected autosomal genetic network. Any biological weapon engineered to target a specific ethnic marker would inevitably trigger a cascading pandemic, obliterating the global population—including the weapon's creators themselves—because human genes are deeply intertwined through maternal lines.

Furthermore, if hostile international superpowers intended to engineer bioweapons against a specific nationality or tribe, would they truly need to wait for commercial samples from individuals like "Ahmed" or "Zaid"? Academic genomic samples are globally accessible for free. For decades, Western universities and international research centers have possessed complete genomic maps of global populations, including the Middle East, via overt, officially declared academic initiatives such as the 1000 Genomes Project, World Health Organization (WHO) surveys, and research hospital biobanks focused on hereditary disorders. They possess an abundance of open-source scientific data, rendering the theft of commercial genealogy data entirely redundant.

3. Tactical and Commercial Realities

By nature, biological weapons—such as weaponized viruses or engineered bacteria—are volatile, "blind," and uncontrollable agents. Once unleashed, their geographic and demographic boundaries cannot be contained. Military history explicitly demonstrates that major global superpowers halted the development of such weapons due to the sheer impossibility of restricting their radius; how could they possibly calibrate them to stop at a specific "tribal mutation"?

Additionally, commercial genetic companies (such as Family Tree DNA, YFull, etc.) are profit-driven, investment-backed corporations whose entire market value resides completely in "customer trust." If it were proven for a single fraction of a second that a commercial genetic registry was leaking client data to intelligence agencies for weaponization, it would face immediate global bankruptcy and catastrophic international litigation.

Furthermore, when genetic samples are processed, they are never uploaded under explicit tribal names like "someone Al-Sobhi" or "Al-Qurashi". Instead, they are designated by abstract, randomized Kit Numbers. These databases process silent mutations and cold numbers—data that is utterly useless to a military general, yet invaluable to a historian and genealogist.

4. The Double Standard of the Alarmists

It is a profound irony that the very individuals terrorized by the "bioweapon scare" over a silent, buccal-swab ancestry test are the exact same individuals who:

- **Rush to advanced hospitals to undergo comprehensive blood panels and sophisticated oncological genetic testing, where their tissue biopsies are routinely exported to international medical labs in the West without a single whisper of suspicion.**

- **Willingly surrender their core biometric data—facial recognition, fingerprints, and voice prints—to foreign commercial software applications and smartphones on a daily basis.**

- **Daily consume imported pharmaceuticals and foodstuffs tightly regulated and manufactured by the very foreign nations whose "biological warfare" they claim to fear!**

The "bioweapon scarecrow" is nothing more than the final refuge of the intellectually defeated. The Y-chromosome has zero governance over the human immune system, commercial entities possess abstract digital codes rather than explicit tribal registries, and the fundamental biomolecular unity of the human species renders an ethnically targeted "smart weapon" a scientific and military impossibility. These alarmists do not fear foreign biological warfare; rather, they fear the biological truths of empirical science that will uproot their manufactured genealogies and expose their fabrications!

PART III: NEANDERTHALS WERE NOT APES — DNA EVIDENCE FOR HUMAN MONOGENESIS

1. Demolishing the Darwinian Paradigm via Archaeogenetics

We now arrive at the final frontier of dismantling these fallacies: a comical fabrication utterly devoid of scientific methodology or logic. These digital commentators have reached such a level of desperation that they conflate entirely separate domains, branding genetic genealogy researchers with accusations of "atheism" and "Darwinism" simply because they lack the capacity to decode the science. They attempt to manipulate the religious sentiments of the public using the scarecrow of "Evolutionary Theory" and the claim that human beings descended from apes.
This fallacy collapses entirely when exposed to both scientific facts and theological realities; in truth, genetic genealogy across all its branches is the single greatest destroyer of Darwinian theory, providing the most robust empirical proof for the monogenetic creation of humanity from a single father and a single mother.

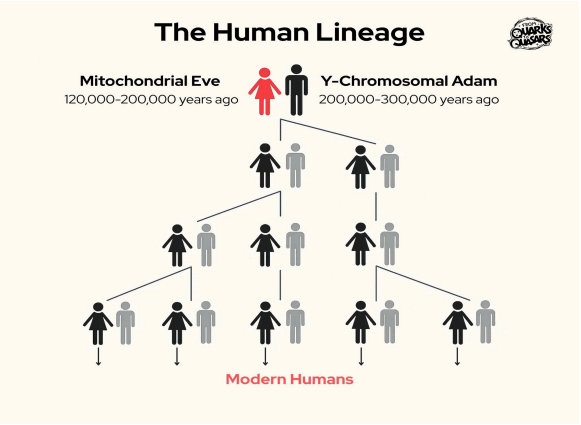
Let us dismantle this profound ignorance by breaking down the Neanderthal narrative and its relation to Adam and human lineage:

While Darwin and his materialist adherents asserted that human beings evolved via blind, gradual, and parallel trajectories over millions of years from shared primate ancestors, genetic genealogy delivered a fatal blow to this hypothesis through two globally recognized scientific facts:

First: Y-Chromosomal Adam
Genomic scientists established that every single living male on planet Earth today, across all diverse races, ethnicities, and tribes, structurally converges into the loins of one single male ancestor from whom they all inherited the Y-chromosome.

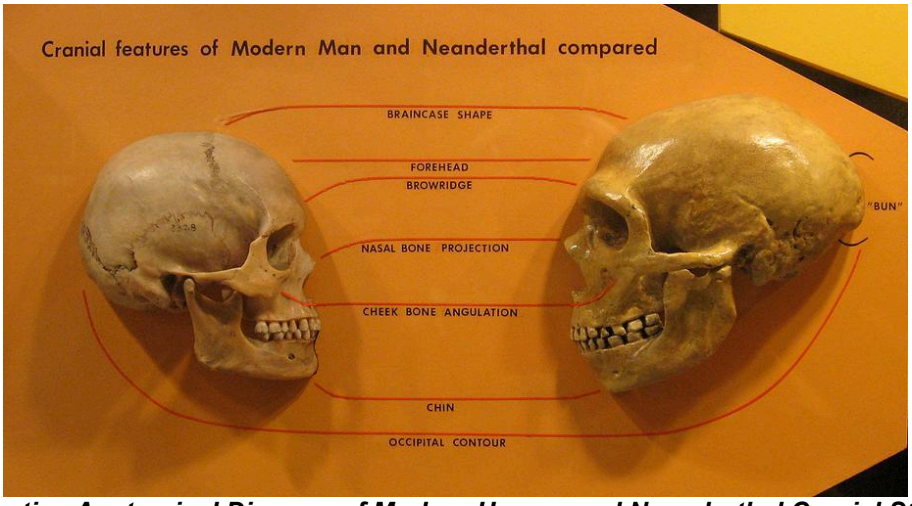
Second: Mitochondrial Eve
Scientists verified that all living humans (both male and female) trace their maternal lineage via mitochondrial DNA (mtDNA) back to one single female ancestor.

This definitive molecular convergence into a single common father and mother utterly obliterates the evolutionary hypothesis of parallel, multi-regional evolution of human groups from primate herds. Instead, it perfectly mirrors the theological paradigm: that all of humanity emerged from a single soul. How can a science that empirically validates the reality of an ancestral "Adam" be accused of serving Darwinism?



2. The Neanderthal Enigma: A Primate Caricature or Fully Human Lineage?

Who were Neanderthals from a strictly biological perspective? They were an ancient human variant, not apes! Anatomically, they possessed a more robust skeletal structure adapted to glacial environments across Europe and parts of Asia. Culturally and behaviorally, they constructed dwellings, buried their dead with ritualistic care, and engineered highly complex hunting tools. They were fully sapient, accountable human beings falling entirely under the umbrella of the "Children of Adam" who dispersed across the Earth; they were never a transitional "missing link" between primates and humans.



Comparative Anatomical Diagram of Modern Human and Neanderthal Cranial Structures

When advanced genomic laboratories sequence the complete autosomal DNA of contemporary Eurasian populations, they identify a minor genetic overlap ranging between 1% and 2% matching Neanderthal skeletal remains extracted from ancient caves. This does not imply that modern humans evolved from Neanderthals; rather, it documents historical instances of natural human intermarriage and admixture between migrating ancient populations. This is an elementary reality of human reproduction, perfectly identical to how tribes intermarry and blend genetically through alliance and affinity over centuries.

The ultimate paradox that permanently silences these pretentious critics is that tribal lineage verification relies exclusively on the highly preserved, clean Y-chromosome. This specific chromosome across all modern global populations is completely distinct; not a single male individual tested in any lineage or tribe worldwide has ever been found to carry a Y-chromosome belonging to Neanderthal lineages. How dare they claim that genetic researchers are linking people's lineages to Neanderthals, when patrilineal testing is the very tool that structurally segregates them?

3. Epistemological Failure: Conflating Separate Fields

This intellectual confusion stems from two primary sources:
An absolute inability to differentiate between entirely separate scientific disciplines. These critics conflate Paleoanthropology and Paleontology—fields frequently

exploited by materialists to promote evolutionary philosophies—with Historical Archaeogenetics. The latter is a precise forensic discipline dedicated to studying the mutations, migrations, and demographic structures of extant human populations over the past few thousand years (the eras of Adnan, Qahtan, and their immediate ancestors).

When a false claimant realizes his manufactured pedigree has collapsed before the unyielding codes of DNA, he finds his social pride deeply wounded. Lacking any scientific recourse, his sole remaining weapon is "excommunication and demonization". He turns to the public and screams: "Beware of these researchers! They are atheistic followers of Darwin who want to turn your ancestors into apes or Neanderthals!"—all merely to escape his own biological exposure.

Archaeogenetics is the definitive antidote that shattered Darwinian dreams, proving with digital, undeniable numbers that all humanity descends from the loins of a single common patriarch (a Genetic Adam). Discussing Neanderthals is an analysis of ancient, extinct human groups that mixed socially, completely decoupled from primates or materialistic evolutionary myths.

These commentators practice "intellectual terrorism" to camouflage their scientific bankruptcy. However, biological facts shall remain towering and unshaken, exposing the falsehood of their manufactured claims, and proving that genomics is the truest, most meticulous verifier of the history of the Children of Adam upon this Earth.

Conclusion: The Triumph of Empirical Science Over Digital Chaos:

In conclusion, this research definitively demonstrates that archaeogenetics (Y-DNA) has never been a mere scientific luxury or a passing speculative tool; rather, it stands as an unyielding biological court and conclusive forensic proof that settles historical disputes, protecting authentic lineages from the fabrications of revisionists and the sophistry of digital commentators. All the fallacies and scares propagated by these pretenders across open digital spaces—whether the alarmist "ethnic bioweapon" paradigm or the comical "Darwinian Neanderthal" accusation—are nothing more than the final, desperate ruses of those whose manufactured pedigrees and artificial social prestige have collapsed before the unyielding codes of DNA.

The empirical, digital evidence has established beyond a shadow of a doubt that global human lineages converge structurally into a single common father and a single common mother, making genetic genealogy the ultimate destroyer of materialistic evolutionary myths and the truest verifier of human pedigree. While the chaotic prattle of online platforms will inevitably vanish as froth, the systematic accumulation of global genomic data and rigorous field validation will continue to advance. Ultimately, only empirical truth shall prevail, and the definitive, final verdict will always belong to the documented biological record, in absolute defiance of all false claimants.

مختصر الدراسة والبحث

تناول هذا البحث دراسةً تفكيكية ونقدية رصينة لواقع الأنثروبولوجيا الجينية وعلم الجينوم السلالي ودوره القطعي كقرينة إثبات علمية في ميزان التحقيق التاريخي. وتأتي هذه الأطروحة (Y-DNA) لتضع حداً للفوضى الرقمية والتشغيب الممنهج الذي تمارسه المساحات الافتراضية، مستعرضةً بالدليل الرقمي القاطع شفرات الحمض النووي السلالي وهياكله الجينية وتأثيرها في فض النزاعات التاريخية وإبطال الدعاوى المصطنعة، لإعادة الهيبة الأكاديمية والتحكيمية للأنثروبولوجيا الجينية في سبر أغوار الهجرات البشرية والصلات النسبية الكلاسيكية.

عن المؤلف

أحمد حمد حميد بن ربيع الصبحي

- خريج تقنية كهربائية وسلامة وصحة مهنية.
- مفتش صحة وسلامة مهنية (OHS Inspector).
- خبير إدارة أنظمة لينكس، وكتابة سكريبتات باش، وتطوير البرمجيات.
- منشئ توزيعة Belltraix Linux، توزيعة لينكس مخصصة مبنية على Kubuntu.
- مهتم بعلم المخطوطات، مع تركيز خاص على تحرير ودراسة النصوص الكلاسيكية.
- مهتم بالأنساب والدراسات التاريخية.
- مهتم بالتراث البحري العربي وعلم الملاحة التقليدية.
- له: كتاب الجار في المصادر والآثار 1447 هـ.